◇综 述◇

# C/EBPβ 在女性生殖中的作用及其机制研究进展

刘淑真<sup>1</sup>,彭佳华<sup>1,2</sup>,肖 敏<sup>1</sup> 综述 梁瑞宁<sup>1,2,3</sup> 审校 (<sup>1</sup> 江西中医药大学临床医学院,南昌 330004;<sup>2</sup> 江西中医药大学中医妇产科学研究所,南昌 330008;
<sup>3</sup> 江西中医药大学附属医院妇科,南昌 330006)

摘要 CCAAT/增强子结合蛋白 β(C/EBPβ)作为一种转录因子,参与细胞增殖凋亡、炎症和免疫反应等多个生物过程。其在卵巢、子宫等女性生殖器官中均有表达,是女性生殖生理功能和多种生殖系统疾病的关键调节因子之一。该文对 C/EBPβ 在卵泡发育、子宫蜕膜化等生理功能和多囊卵巢综合征、子宫内膜异位症和卵巢肿瘤等女性生殖疾病中发挥的重要作用及其机制进行综述,旨在为生殖领域提供潜在的研究靶点。

关键词 CCAAT/增强子结合蛋白 β;生殖;卵泡发育;蜕膜化;多囊卵巢综合征中图分类号 R 71

文献标志码 A 文章编号 1000 - 1492(2025)11 - 2175 - 07 doi:10.19405/j. cnki. issn1000 - 1492.2025.11.025

因环境污染、生活压力、遗传等多重因素的影 响,女性生殖健康问题日益凸显,生殖系统疾病发病 率持续攀升,且患者群体呈年轻化趋势。女性生殖 系统的生理功能需要多个系统、器官及分子层面的 精细协调。深入研究女性生殖过程的调控机制,对 阐明相关生殖障碍疾病的发病机理和发现生物标志 物具有重要意义。1997 年, Sterneck et al<sup>[1]</sup> 发现 CCAAT/增强子结合蛋白 β (CCAAT/enhancer binding protein β, C/EBPβ)缺陷型小鼠表现出黄体不 足和生殖障碍。因此, C/EBPβ 被认为是卵巢卵泡 发育所需的首批转录因子之一。随着生殖医学领域 对 C/EBPβ 的深入研究,其在女性生殖系统中的调 控机制逐渐被揭示。该文对 C/EBPβ 在女性卵泡发 育、排卵及子宫蜕膜化等生理过程和多囊卵巢综合 征(polycystic ovary syndrome, PCOS)、子宫内膜异位 症(endometriosis, EMs)和妇科肿瘤等生殖疾病的 研究进展进行综述,以期提供实验研究思路。

# 1 C/EBPβ蛋白及其生物学特性

CCAAT/增强子结合蛋白是碱性亮氨酸拉链 (bZIP)转录因子家族成员,通过同源二聚体或异源 二聚体的形式结合序列特异性 DNA,并与其他蛋白 相互作用,从而调控真核基因转录。作为该家族成 员之一,C/EBPβ 在细胞分化、存活、能量代谢、免疫 炎症、衰老和肿瘤发生中起关键作用<sup>[2-3]</sup>。 C/EBPB 由单个外显子基因编码,翻译成3种蛋白质亚型:38 ku 的肝富集转录激活蛋白(liver-enriched transcriptional activating protein, LAP) 1、34 ku 的 LAP2 和 21 ku 肝富集转录抑制蛋白(LIP)。三者具有相同的 C 末端 DNA 结合域和二聚化结构域,但在 N 端存在 差异。肝富集转录抑制蛋白缺少 LAP1 和 LAP2 具 备的转录结合域,可能会竞争性地抑制 LAP1 和 LAP2 的转录活性。C/EBPB 可以维持染色质的开 放状态,与其他转录因子协同作用,从而促进多种基 因的转录。C/EBPβ 的结构中还包含了多个翻译后 修饰位点,如磷酸化、乙酰化和甲基化位点。这些位 点的修饰可以调节 C/EBPβ 的活性、稳定性以及与 其他蛋白质的相互作用[4]。

# 2 C/EBPβ与雌性生殖生理过程

2.1 C/EBPβ与中枢的激素合成 下丘脑 - 垂体 - 卵巢轴是调控女性生殖功能的神经内分泌系统。 下丘脑分泌的促性腺激素释放激素 (gonadotropin-

2025 - 09 - 17 接收

基金项目: 国家自然科学基金(编号: 81560783、82060880、81860865); 江西省重点研发计划(编号: 20223BBG71012);江西中医药大学首批校级科技创新团队立项(编号:CXTD22013);江西省教育厅科学技术研究项目(编号:GJJ2200915);江西省自然科学基金(编号:20202BAB206073);江西省科技专项资金项目(编号:20232BAB216115)

作者简介:刘淑真,女,博士研究生;

梁瑞宁,男,教授,主任医师,博士生导师,通信作者,E-mail: jack169@ sina. com

releasing hormone, GnRH)促使垂体分泌促卵泡生长激素(follicle stimulating hormone, FSH)和促黄体生成激素(luteinizing hormone, LH),促进卵巢分泌雌孕激素,调控月经周期、卵泡发育和排卵等生殖过程。

在成年小鼠垂体中,分泌球蛋白 3A2 (secretoglobin 3A2, SCGB3A2) 主要分布在 FSH 和 LH 分泌 细胞中,能够与促性腺激素共定位。SCGB3A2 显著 抑制啮齿动物垂体原代细胞培养物中 LH 和 FSH 的 表达。此外,C/EBPB 在成年小鼠的垂体中高表达, 其可能参与垂体前叶中 SCGB3A2 的转录过程<sup>[5]</sup>。 褪黑激素产生于松果体,其不仅通过与 GnRH 增强 子区域的 C/EBPβ 结合直接调控 GnRH 表达,还能 刺激卵巢颗粒细胞(granulosa cells, GCs)产生卵泡 生长调控因子,促进卵泡有丝分裂和成熟[6-7]。邻 苯二甲酸二(2-乙基己基)酯(DEHP)是一种常见的 塑化剂。研究[8] 表明, DHEP 暴露可导致小鼠卵巢 细胞基因表达紊乱和卵母细胞组蛋白甲基化修饰减 弱,而褪黑激素干预可逆转这些不良影响。具体机 制为:褪黑激素能上调 C/EBPB 表达,同时增加原始 卵泡形成关键蛋白(LHX8 和 SOHLH1)以及组蛋白 甲基化修饰相关基因(Smyd3 和 Kdm5a)的表达,从 而改善原始卵泡的发育进程。

2.2 C/EBPβ与卵巢卵泡发育 卵巢是卵泡生长发育的摇篮。GCs 作为卵泡中的主要细胞群,通过分泌多种物质,为卵泡发育提供必要的物质基础和激素环境。改善 GCs 增殖凋亡不平衡等异常状态对促进卵泡发育具有重要意义。

周小枫[9]的实验证明,猪卵巢 GCs 中的 C/ EBPβ蛋白与信号传导及转录激活蛋白(signal transducer and activator of transcription 3, STAT3) 启 动子结合并促进其转录和翻译。此外,在环磷酸腺 苷(cyclic adenosine monophosphate, cAMP)调控下, C/EBPβ 能增强 STAT3 对 GCs 的促增殖和抗凋亡 作用。芳香化酶是卵巢 GCs 中的关键酶,与雌激素 合成、卵泡发育及排卵密切相关。卵泡发育和分化 的特征之一是细胞色素 P450 家族 19 亚家族 A 成 员 1 (cytochrome P450 family 19 subfamily A member 1, CYP19A1)的显著上调,催化雄激素转化为雌激 素,促进卵泡发育[10]。研究[11]表明,在内毒素耐受 的水牛 GCs 中, miR-326 表达显著上调。miR-326 通 过激活 cAMP 反应元件结合蛋白(cAMP response binding protein, CREB)促进 C/EBPB 信号级联反 应,进而抑制 CYP19A1 的转录并降低 17-B 雌二醇 水平,导致 GCs 功能受损和类固醇生成改变,最终形成免疫耐受样状态。抑制素是一种卵巢 GCs 中产生的二聚体肽激素,可抑制垂体中 FSH 的合成和分泌。Burkart et al  $^{[12]}$ 研究发现,在 C/EBP $\beta$  敲除小鼠的卵巢 GCs 中,抑制素  $\alpha$  亚基的 mRNA 水平显著上调,表明 C/EBP $\beta$  能够抑制 GCs 中抑制素  $\alpha$  亚基的表达,这一作用与 C/EBP $\beta$  对其启动子活性的抑制密切相关。

2.3 C/EBPβ与排卵和黄体化 在月经周期中,成熟卵泡从卵巢中排出的过程称为排卵,这一过程受到规律性激素的调控。研究<sup>[1]</sup>表明,C/EBPβ 敲除小鼠的卵巢缺乏黄体,且前列腺素内过氧化物酶合酶 2 和 P450arom 的表达无法下调,通过正反馈机制导致促性腺激素释放减少,出现排卵障碍。

排卵本质上是一种炎症反应。肿瘤坏死因子是一种炎症相关细胞因子,其水平在排卵前后升高。Sun et al<sup>[13]</sup>研究发现,在小鼠 GCs 中,肿瘤坏死因子和 cAMP 通过环磷酸腺苷依赖性蛋白激酶 A (cAMP dependent protein kinase A, PKA) -CREB 通路诱导C/EBPβ。进一步研究发现,C/EBPβ 可通过结合血清淀粉样蛋白 A3 (serum amyloid A3, SAA3)启动子区的 4 个特异性结合位点,显著增强 SAA3 的转录水平。功能分析显示,SAA3 能够抑制 cAMP 诱导的雌二醇合成,并降低芳香化酶 CYP19 的表达水平,这一发现揭示了 SAA3 在调控排卵过程中的重要作用。

在人的 GCs 中, C/EBPβ 的表达受到 LH 激增 的诱导,与上游的细胞外信号调节激酶1和2(extracellular signal-regulated kinases 1 and 2, ERK1/2)构 成 LH 调控排卵和黄体化的重要信号通路[14]。在 排卵过程中,神经调节蛋白1(neuregulin 1, NRG1) 促进双调蛋白(amphiregulin, AREG)诱导 GCs 产生 孕酮,并促进卵母细胞成熟并诱导黄体化。NRGI 基因在排卵期间受到 ERK1/2 和 C/EBPβ 依赖性诱 导,同时 NRG1 进一步增强了 AREG 诱导的 GCs 中 ERK1/2 磷酸化<sup>[15]</sup>。另有研究<sup>[16]</sup>表明 C/EBPβ 似 乎通过维持黄体细胞所需的血管网络形成相关基因 的表达来调节黄体生成过程。在人绒毛膜促性腺激 素干预雌性大鼠后,GCs 中血管内皮生长因子(vascular endothelial growth factor, VEGF)的表达升高, 部分原因是 C/EBPβ 与 VEGF 的结合增加。同时, 转录抑制标志物 H3K9me3 和 H3K27me3 的表达显 著降低,C/EBPβ结合区的染色质结构变得更加松 散,有益于转录过程[17]。

2.4 C/EBPβ与子宫蜕膜化和胚胎植入 卵巢排出的卵子在输卵管中与精子结合形成受精卵,随后被输送至子宫完成胚胎植入和发育。子宫内膜基质细胞在雌孕激素作用下转化为分泌型蜕膜细胞,为早期妊娠和胎盘形成提供营养和免疫支持,这一过程称为蜕膜化。

研究<sup>[18-19]</sup>表明, C/EBPβ 在小鼠植入胚胎周围的蜕膜化基质细胞中表达,并在囊胚附着时被雌孕激素迅速诱导。C/EBPβ 下调核肌动蛋白输出因子,从而加速核肌动蛋白积累及其组装以进行蜕膜化,其表达下降会导致基质细胞增殖、分化受损及蜕膜化障碍。在蜕膜化过程中, C/EBPβ 通过调节葡萄糖转运蛋白 1 (GLUT1) 启动子区域的 H3 K27 乙酰化和 p300 募集,促进内膜基质细胞的葡萄糖摄取,支持妊娠建立<sup>[20-21]</sup>。层粘连蛋白 A5 在蜕膜化过程中显著增加,其表达受黄体酮通过 PKA-CREB-C/EBPβ 通路调控。层粘连蛋白 A5 敲低会抑制蜕膜化标志物 Prl8a2 的表达<sup>[22]</sup>。子宫内膜管腔上皮转化为接受状态是胚胎成功植入的必要事件。同时, C/EBPβ 在胚胎附着前阶段高度激活,促进基质

金属蛋白酶 8 的转录;在黄体中期, C/EBPβ 调控视 黄酸受体 α 的表达,均在子宫内膜管腔上皮的容受 性中发挥重要作用 $[^{23-24}]$ 。因此, C/EBPβ 在胚胎植 人和蜕膜化过程中起着关键的调控作用(图 1)。

# 3 C/EBPβ与女性生殖疾病

- 3.1 PCOS PCOS 是一种生殖功能障碍与代谢功能紊乱并存的内分泌疾病,常见于育龄期女性。研究<sup>[25]</sup>表明,C/EBPβ 是 PCOS 病理进程中的关键因子。促红细胞生成素产生肝细胞 A7 (EPHA7)作为 C/EBPβ 的正向调控蛋白,其敲低会导致 PCOS 模型大鼠卵巢中卵母细胞数量减少、月经紊乱及卵巢多囊样改变,同时 C/EBPβ 表达下降。此外,4 个半 LIM 结构域 2 (FHL2)通过抑制 C/EBPβ 表达,进一步减少卵母细胞数量<sup>[26]</sup>。以上证明 C/EBPβ 为 P-COS 病理进程中的关键因子之一。
- 3.2 EMs 和子宫腺肌病 EMs 和子宫腺肌病均是雌激素依赖性疾病,以慢性盆腔疼痛和不孕为特征。雌激素的生物合成受两种限速蛋白控制,即类固醇生成急性调节蛋白(steroidogenic acute regulatory

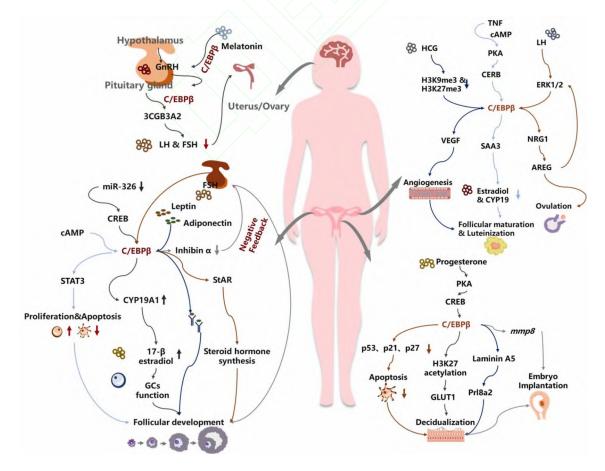


图 1 C/EBPβ 在女性生殖生理过程中的作用

Fig. 1 The role of C/EBPβ in female reproductive functions

protein, StAR)和芳香化酶。在异位子宫内膜基质 细胞中,P450arom 通过 cAMP 途径被前列腺素 E2 强烈刺激,产生雌激素。而 C/EBPB 表达下调,并通 过结合 CRE 抑制 P450arom 启动子活性[27]。异位 子宫内膜基质细胞中 StAR 蛋白的异常表达同样影 响着异位组织中雌激素的生物合成,StAR 的启动子 活性由 CREB 和 C/EBPβ 协同调节<sup>[28]</sup>。作为一种 新型免疫疗法,舒尼替尼通过促进骨髓衍生抑制细 胞(myeloid-derived suppressor cells, MDSCs)成熟与 分化,抑制免疫抑制功能来改善 EMs。该研究进一 步发现,转录因子 C/EBPβ 在 MDSCs 向粒细胞谱系 分化过程中表达显著上调,并直接参与调控 MDSCs 的免疫抑制活性[29]。Xiang et al [30] 对子宫腺肌病 和对照组的子宫内膜进行 RNA 测序,发现 C/EBPB 表达增加与子宫腺肌病有关。研究揭示了 C/EBPβ 与子宫腺肌病之间的潜在关联,但相关病理和分子 机制仍需进一步阐明。

- 3.3 流产 蜕膜早期巨噬细胞极化失调(M1/M2升高)可导致同种异体胎儿排斥反应,引发早期自然流产。研究<sup>[31]</sup>发现,自然流产患者的孕早期蜕膜组织中胎盘生长因子(placental growth factor, PL-GF)和Fms 样酪氨酸激酶受体1(Fms-like-tyrosine-kinase receptor 1, FLT-1)表达下降,可能诱导蜕膜巨噬细胞(decidual macrophages, dMφs)向M1样极化。重组PLGF通过刺激FLT-1受体,激活STAT3磷酸化并提高C/EBPβ表达,促进M2相关标志物(CD209和IL-10)表达,驱动dMφs向M2样极化。因此,PLGF通过FLT-1-STAT3-C/EBPβ信号通路在维持早期妊娠中起关键作用。
- **3.4** 早产 早产(premature birth, PTB)定义为妊娠 37 周前分娩。研究表明,与子宫中血管紧张素Ⅱ受体 2 型(the angiotensin Ⅱ receptor type 2, AGTR2)表达相关的等位基因与 PTB 风险增加和胎期缩短有关。rs7889204 是 PTB 相关的非编码遗传变体,是 AGTR2 表达的关键数量性状位点。C/EBPβ 与 rs7889204 等位基因的结合减少,导致 AGTR2 表达降低,从而增加 PTB 风险<sup>[32]</sup>。

#### 3.5 生殖系统肿瘤

3.5.1 宫颈癌(cervical cancer, CCA) CCA 是由人乳头瘤病毒感染引起的恶性肿瘤。CCA 组织中 C/EBPβ 蛋白表达显著降低。C/EBPβ 过表达可抑制 CCA 细胞增殖、迁移和侵袭,诱导细胞凋亡并阻滞细胞周期于 S 期<sup>[33]</sup>。吸引素样蛋白 1 (ATRNL1) 在 CCA 中表达也下降,其通过 C/EBPβ 转录激活,

可抑制 CCA 细胞活力、迁移和上皮间质转化<sup>[34]</sup>。 CCA 与辅助性 T 细胞 17(T helper cell 17, Th17)参 与的炎症微环境相关。肿瘤细胞通过诱导成纤维细 胞旁分泌 IL-6,激活 C/EBPβ 信号通路,进而促进 Th17 细胞的浸润,从而重塑肿瘤局部微环境。C/ EBPβ 还通过上调 Th17 趋化因子 CCL20 的表达,进 一步增强 Th17 的招募与活化,最终加速 CCA 的恶 性进展<sup>[35]</sup>。Fas 配体(Fas ligand, FASL)是一种细 胞表面蛋白,通过与 FAS 受体结合触发细胞凋亡。 rs763110 是与 FASL 配体相关的单核苷酸多态性 (SNP)位点。携带 rs763110 TT 基因型的患者患癌 风险增加。研究<sup>[36]</sup>表明,有机阳离子转运体1(organic cation transporter 1, OCT1)通过与 C/EBPB 相 互作用,调节 FASL 配体启动子区域的转录。 rs763110 变体通过影响 C/EBPβ/OCT1 与染色质的 结合亲和力调控 CCA 进展。

3.5.2 卵巢癌(ovarian cancer, OCA) OCA 通常 指起源于卵巢上皮细胞的恶性肿瘤,是卵巢恶性肿 瘤中最主要的类型。C/EBPβ 在上皮性卵巢肿瘤细 胞核中表达,且其表达水平随肿瘤分化程度增加而 升高,可能在肿瘤增殖和进展中起核心作用。卵巢 腺癌经常转移到腹膜腔,形成腹水,构成促进肿瘤的 微环境。C/EBPB与GATA结合蛋白6促进免疫抑 制性腹膜巨噬细胞向免疫活性大腹膜巨噬细胞分 化,增强抑癌免疫机制<sup>[37]</sup>。化疗的耐药性是 OCA 预后不良的主要原因之一。C/EBPβ 通过募集 DOT1 样组蛋白赖氨酸甲基转移酶促进组蛋白 H3K79 甲基化,维持开放染色质状态,促进顺铂耐 药性的形成<sup>[38]</sup>。小核仁 RNA 宿主基因 SNHG16-L/ S 通过与 C/EBPβ 结合抑制 GATA 结合蛋白 3 转 录,减缓 OCA 进展和紫杉醇耐药[39]。此外, C/ EBPB 还通过上调同源重组基因(如 BRCA1、BRIP1、 BRIT1 和 RAD51) 介导 PARP 抑制剂耐药<sup>[40]</sup>。综 上,C/EBPβ 直接或间接参与卵巢癌进展和化疗耐 药。

### 4 结语

C/EBPβ 作为关键转录调控因子,在女性生殖 生理和病理过程中发挥核心调控作用。现有研究已 证实,它不仅参与卵泡发育、激素合成、排卵和黄体 形成等基础生理过程,还在子宫蜕膜化、胚胎着床等 妊娠相关事件中扮演关键角色。在病理方面,C/ EBPβ 的表达异常与 PCOS、EMs、流产、早产以及多 种妇科肿瘤的发生发展密切相关。这些发现为理解 女性生殖疾病的分子机制提供了重要线索。然而, 当前研究仍存在若干局限:首先,多数机制研究停留 在细胞和动物模型层面,临床转化不足;其次,对 C/EBPβ 不同亚型在特定生理病理条件下的功能分 化认识不足;再者,尽管 C/EBPβ 的调控网络已被初 步揭示,但其具体信号通路和下游靶基因的相互作 用仍需进一步阐明,尤其是在不同生殖疾病中的特 异性机制。未来研究可关注:基础研究方面,可整合 单细胞测序等新高通量测序技术绘制其精准调控网 络,开发靶向 C/EBPβ 通路的小分子药物或基因治 疗新策略,深入研究其作用机制<sup>[41]</sup>;转化医学方面, 应开展多中心临床研究验证其作为诊断标志物或治 疗靶点的价值。通过多学科交叉融合,有助于更全 面地理解生殖调控机制,并为相关疾病的防治提供 研究依据,逐步推进转化研究的开展。

# 参考文献

- [1] Sterneck E, Tessarollo L, Johnson P F. An essential role for C/EBPbeta in female reproduction[J]. Genes Dev, 1997, 11(17);
   2153 62. doi:10.1101/gad.11.17.2153.
- [2] de Laval B, Maurizio J, Kandalla P K, et al. C/EBPβ dependent epigenetic memory induces trained immunity in hematopoietic stem cells[J]. Cell Stem Cell, 2020, 26(5): 657 –74. e8. doi: 10.1016/j. stem. 2020. 01. 017.
- [3] 郑 煦. C/EBPβ 促进卵巢癌细胞增殖的相关机制研究[D]. 武汉: 华中科技大学, 2021. doi: 10. 27157/d. cnki. ghzku. 2021. 000575. Zheng X. C/EBPβ sustains a gene expression program that promotes tumor growth of ovarian cancer cells[D]. Wuhan: Huazhong University of Science and Technology, 2021. doi: 10. 27157/d. cnki. ghzku. 2021. 000575.
- [4] Ren Q, Liu Z, Wu L, et al. C/EBPβ: the structure, regulation, and its roles in inflammation-related diseases[J]. Biomed Pharmacother, 2023, 169: 115938. doi: 10. 1016/j. biopha. 2023. 115938.
- [5] Miyano Y, Tahara S, Sakata I, et al. Regulation of LH/FSH expression by secretoglobin 3A2 in the mouse pituitary gland [J]. Cell Tissue Res, 2014, 356(1): 253-60. doi:10.1007/s00441-014-1794-z.
- [6] Yong W, Ma H, Na M, et al. Roles of melatonin in the field of reproductive medicine [J]. Biomed Pharmacother, 2021, 144: 112001. doi:10.1016/j.biopha.2021.112001.
- [7] Gillespie J M A, Roy D, Cui H, et al. Repression of gonadotropin-releasing hormone (GnRH) gene expression by melatonin may involve transcription factors COUP-TFI and C/EBP beta binding at the GnRH enhancer[J]. Neuroendocrinology, 2004, 79(2): 63 -72. doi:10.1159/000076629.
- [8] Wang J J, Zhang X Y, Zeng Y, et al. Melatonin alleviates the toxic effect of di(2-ethylhexyl) phthalate on oocyte quality resul-

- ting from CEBPB suppression during primordial follicle formation [J]. J Hazard Mater, 2024, 465: 132997. doi:10.1016/j.jhazmat.2023.132997.
- [9] 周小枫. STAT3 基因的表达调控及其在猪卵巢颗粒细胞中的作用研究[D]. 广州: 华南农业大学, 2018.

  Zhou X F. Study on the regulation and cell function of STAT3 gene in porcine ovary granulosa cells [D]. Guangzhou: South China Agricultural University, 2018.
- [10] Shao T, Ke H, Liu R, et al. Autophagy regulates differentiation of ovarian granulosa cells through degradation of WT1 [J]. Autophagy, 2022, 18 (8): 1864 - 78. doi:10.1080/15548627.2021. 2005415.
- [11] Chaurasiya V, Kumari S, Onteru S K, et al. miR-326 down-regulate CYP19A1 expression and estradiol-17b production in buffalo granulosa cells through CREB and C/EBP-β[J]. J Steroid Biochem Mol Biol, 2020, 199: 105608. doi:10.1016/j.jsbmb. 2020.105608.
- [12] Burkart A D, Mukherjee A, Sterneck E, et al. Repression of the inhibin alpha-subunit gene by the transcription factor CCAAT/enhancer-binding protein-beta[J]. Endocrinology, 2005, 146(4): 1909-21. doi:10.1210/en.2004-0842.
- [13] Son D S, Terranova P F, Roby K F. Interaction of adenosine 3′, 5 ′- cyclic monophosphate and tumor necrosis factor-alpha on serum amyloid A3 expression in mouse granulosa cells: dependence on CCAAT-enhancing binding protein-beta isoform [J]. Endocrinology, 2010, 151(7): 3407-19. doi:10.1210/en.2009-1321.
- [14] Fan H Y, Liu Z, Shimada M, et al. MAPK3/1 (ERK1/2) in ovarian granulosa cells are essential for female fertility [J]. Science, 2009, 324 (5929): 938 41. doi: 10. 1126/science. 1171396.
- [15] Noma N, Kawashima I, Fan H Y, et al. LH-induced neuregulin 1 (NRG1) type III transcripts control granulosa cell differentiation and oocyte maturation [J]. Mol Endocrinol, 2011, 25(1): 104 16. doi:10.1210/me.2010 0225.
- [16] Fan H Y, Liu Z, Johnson P F, et al. CCAAT/enhancer-binding proteins (C/EBP)-α and-β are essential for ovulation, luteinization, and the expression of key target genes[J]. Mol Endocrinol, 2011, 25(2); 253-68. doi:10.1210/me.2010-0318.
- [17] Shinagawa M, Tamura I, Maekawa R, et al. C/EBPβ regulates Vegf gene expression in granulosa cells undergoing luteinization during ovulation in female rats[J]. Sci Rep, 2019, 9(1): 714. doi:10.1038/s41598 - 018 - 36566 - y.
- [18] Mantena S R, Kannan A, Cheon Y P, et al. C/EBPbeta is a critical mediator of steroid hormone-regulated cell proliferation and differentiation in the uterine epithelium and stroma [J]. Proc Natl Acad Sci USA, 2006, 103(6): 1870 5. doi:10.1073/pnas.0507261103.
- [19] Tamura I, Miyamoto K, Hatanaka C, et al. Nuclear actin assembly is an integral part of decidualization in human endometrial stromal cells[J]. Commun Biol, 2024, 7(1): 830. doi:10.1038/s42003-024-06492-z.
- [20] Tamura I, Fujimura T, Doi-Tanaka Y, et al. The essential glucose

- transporter GLUT1 is epigenetically upregulated by C/EBP $\beta$  and WT1 during decidualization of the endometrium[J]. J Biol Chem, 2021, 297(4); 101150. doi:10.1016/j.jbc.2021.101150.
- [21] Tamura I, Shiroshita A, Fujimura T, et al. Glucose and lipid metabolisms in human endometrial stromal cells during decidualization
  [J]. Endocr J, 2023, 70(5): 465 72. doi:10.1507/endocrj.
  EJ23 0099.
- [22] Yang Z S, Pan H Y, Shi W W, et al. Regulation and function of laminin A5 during mouse and human decidualization [J]. Int J Mol Sci, 2021, 23(1): 199. doi:10.3390/ijms23010199.
- [23] Sun Y, Yang Y, Jiang Z, et al. C/EBP-β contributes to pig endometrial LE receptivity by targeting cell remodeling genes during implantation [J]. Reproduction, 2022, 164(6): 269 –81. doi:10. 1530/REP –22 –0270.
- [24] Huang C, Zhang Q, Ni T, et al. Deficiency of RARα suppresses decidualization via downregulating CEBPB transcription in women with recurrent implantation failure [J]. Front Endocrinol, 2022, 13: 753416. doi:10.3389/fendo.2022.753416.
- [25] Li S, Zhai J, Liu J, et al. Erythropoietin-producing hepatocellular A7 triggering ovulation indicates a potential beneficial role for polycystic ovary syndrome [J]. EBioMedicine, 2018, 36: 539 – 52. doi:10.1016/j.ebiom.2018.09.046.
- [26] Zhou R, Li S, Liu J, et al. Up-regulated FHL2 inhibits ovulation through interacting with androgen receptor and ERK1/2 in polycystic ovary syndrome[J]. EBioMedicine, 2020, 52: 102635. doi: 10.1016/j.ebiom.2020.102635.
- [27] Yang S, Fang Z, Suzuki T, et al. Regulation of aromatase P450 expression in endometriotic and endometrial stromal cells by CCAAT/enhancer binding proteins (C/EBPs); decreased C/EB-Pbeta in endometriosis is associated with overexpression of aromatase[J]. J Clin Endocrinol Metab, 2002, 87(5); 2336-45. doi:10.1210/jcem.87.5.8486.
- [28] Hsu C C, Lu C W, Huang B M, et al. Cyclic adenosine 3′, 5′ monophosphate response element-binding protein and CCAAT/enhancer-binding protein mediate prostaglandin E2-induced steroidogenic acute regulatory protein expression in endometriotic stromal cells[J]. Am J Pathol, 2008, 173(2): 433-41. doi:10.2353/ajpath.2008.080199.
- [29] He Y, Hung S W, Liang B, et al. Receptor tyrosine kinase inhibitor sunitinib as novel immunotherapy to inhibit myeloid-derived suppressor cells for treatment of endometriosis [J]. Front Immunol, 2021, 12; 641206. doi:10.3389/fimmu.2021.641206.
- [30] Xiang Y, Sun Y, Yang B, et al. Transcriptome sequencing of adenomyosis eutopic endometrium: a new insight into its pathophysiology[J]. J Cell Mol Med, 2019, 23 (12): 8381 91. doi:10. 1111/jcmm.14718.
- [31] Chang R, Dai J, Wang L, et al. PIGF/FLT-1 deficiency leads to reduced STAT3-C/EBPβ signaling and aberrant polarization in decidual macrophages during early spontaneous abortion [J]. Front

- Immunol, 2023, 14: 1061949. doi: 10. 3389/fimmu. 2023. 1061949.
- [32] Wang L, Rossi R M, Chen X, et al. A functional mechanism for a non-coding variant near AGTR2 associated with risk for preterm birth[J]. BMC Med, 2023, 21(1): 258. doi:10.1186/s12916 -023-02973-w.
- [33] Long H, Li Y, Wang H, et al. C/EBPβ expression decreases in cervical cancer and leads to tumorigenesis [J]. BMC Cancer, 2023, 23(1): 79. doi:10.1186/s12885-023-10543-9.
- [34] Fang M, Zhou Y, Li Z, et al. Transcriptional factor CCAAT enhancer binding protein beta inhibits epithelial-mesenchymal transition in cervical cancer via regulating attractin-like 1[J]. Cell Mol Biol (Noisy-le-grand), 2023, 69 (13): 1 7. doi:10.14715/cmb/2023.69.13.1.
- [35] Walch-Rückheim B, Mavrova R, Henning M, et al. Stromal fibroblasts induce CCL20 through IL6/C/EBPβ to support the recruitment of Th17 cells during cervical cancer progression [J]. Cancer Res, 2015, 75 (24): 5248 – 59. doi:10.1158/0008 – 5472. CAN – 15 – 0732.
- [36] Wu S, Wang S, Fu Y, et al. A novel mechanism of rs763110 polymorphism contributing to cervical cancer risk by affecting the binding affinity of C/EBPβ and OCT1 complex to chromatin[J]. Int J Cancer, 2017, 140 (4): 756 63. doi: 10. 1002/ijc. 30490.
- [37] Prat M, Coulson K, Blot C, et al. PPARγ activation modulates the balance of peritoneal macrophage populations to suppress ovarian tumor growth and tumor – induced immunosuppression [J]. J Immunother Cancer, 2023, 11(8): e007031. doi:10.1136/jite – 2023 – 007031.
- [38] Liu D, Zhang X X, Li M C, et al. C/EBPβ enhances platinum resistance of ovarian cancer cells by reprogramming H3K79 methylation [J]. Nat Commun, 2018, 9(1): 1739. doi:10.1038/s41467-018-03590-5.
- [39] Wang H, Zhou Y, Zhang S, et al. PRPF6 promotes metastasis and paclitaxel resistance of ovarian cancer via SNHG16/CEBPB/ GATA3 axis[J]. Oncol Res, 2022, 29(4): 275 – 89. doi:10. 32604/or. 2022. 03561.
- [40] Tan J, Zheng X, Li M, et al. C/EBPβ promotes poly(ADP-ri-bose) polymerase inhibitor resistance by enhancing homologous recombination repair in high-grade serous ovarian cancer[J]. Oncogene, 2021, 40(22): 3845 58. doi:10.1038/s41388 021 01788 4.
- [41] 曹云霞. 高通量测序技术在生殖医学领域的研究与应用[J]. 安徽医科大学学报, 2024, 59(06): 929 34. doi:10.19405/j.cnki.issn1000 1492.2024.06.001.
  Cao Y X. Research and applications of high-throughput sequencing technology in reproductive medicine[J]. Acta Universitatis Medic-

issn1000 - 1492. 2024. 06. 001.

inalis Anhui, 2024, 59 (06): 929 - 34. doi:10.19405/j. cnki.

# Research progress on the role and mechanism of C/EBPβ in female reproduction

Liu Shuzhen<sup>1</sup>, Peng Jiahua<sup>1,2</sup>, Xiao Min<sup>1</sup>, Liang Ruining<sup>1,2,3</sup>

(<sup>1</sup>School of Clinical Medicine of Jiangxi University of Chinese Medicine, Nanchang 330004;

Abstract CCAAT/enhancer binding protein  $\beta$  (C/EBP $\beta$ ) is a transcription factor that plays a vital role in diverse biological processes, including cell proliferation, cell apoptosis, inflammation, and immune regulation. It is expressed in female reproductive organs such as the ovary and uterus, and it serves as a critical regulator of both physiological functions and pathological conditions. This review comprehensively summarizes the significant contributions of C/EBP $\beta$  to physiological processes such as follicular development and decidualization, as well as its involvements and mechanisms in reproductive disorders including polycystic ovary syndrome, endometriosis, and ovarian tumors, aiming to provide a potential research target in the field of reproduction.

**Key words** CCAAT/enhancer binding protein  $\beta$ ; reproduction; follicular development; decidualization; polycystic ovary syndrome

Fund programs National Natural Science Foundation of China (No. 81560783, 82060880, 81860865); Key Research and Development Program of Jiangxi Province (No. 20223BBG71012); the First Batch of Scientific and Technological Innovation Team Project of Jiangxi University of Chinese Medicine (No. CXTD22013); Science and Technology Research Project of Jiangxi Provincial Department of Education (No. GJJ2200915); Natural Science Foundation of Jiangxi Province (No. 20202BAB206073); Special Fund for Science and Technology of Jiangxi Province (No. 20232BAB216115)

Corresponding author Liang Ruining, E-mail: jack169@ sina. com

#### (上接第2174页)

cing (scRNAseq). The association between TIPE3 expression and clinicopathological factors, prognosis, and immune cell infiltration was analyzed. **Results** Transcriptomic and proteomic analyses revealed that among the TIPE family, TIPE (P < 0.05) and TIPE3 (P < 0.001) were significantly upregulated in CRC tissues compared to adjacent normal tissues, with TIPE3 showing the most pronounced increase. IHC further confirmed that TIPE3 expression was significantly higher in CRC tissues (P < 0.001). Kaplan-Meier survival analysis indicated that high TIPE3 expression was associated with reduced survival and poorer prognosis. Immune infiltration analysis demonstrated that patients with high TIPE3 expression exhibited fewer CD8 + T cells and CD20 + B cells but more CD66b + neutrophils, suggesting a correlation between TIPE3 and unfavorable tumor prognosis. Additionally, scRNA-seq of CRC tissues yielded results consistent with the IHC findings. **Conclusion** TIPE3 expression in CRC is associated with tumor immune infiltration, and its upregulation predicts poor prognosis, indicating its potential as a therapeutic and preventive target in CRC.

**Key words** TIPE3; colorectal cancer; immune infiltration; prognosis; tumor tissue; tumor normal tissue **Fund programs** National Natural Science Foundation of China (No. 81801317); Natural Science Foundation of Anhui Province (No. 1808085QH277); Natural Science Research Project of Anhui Educational Committee (No. 2022AH050752).

**Corresponding author** Zhang Pingping, E-mail: pingpingzhang@ ahmu. edu. cn

<sup>&</sup>lt;sup>2</sup>Institute of Obstetrics and Gynecology of Jiangxi University of Chinese Medicine, Nanchang 330008;

<sup>&</sup>lt;sup>3</sup>Dept of Gynecology, Affiliated Hospital of Jiangxi University of Chinese Medicine, Nanchang 330006)